

# Арсен Аракелян

резюме

Личные данные	
Адрес:	Ул. Г. Нжде 2, кв. 24, 0006, Ереван
Тел:	+37410 440566
Моб:	+37492 792301
Год рождения:	10 февраля 1979 г.
Место рождения:	Ереван, Армения
Гражданство:	Армения
Эл. почта:	<a href="mailto:arsen.arakelyan@rau.am">arsen.arakelyan@rau.am</a>
Образование	
1995-1999	<b>Бакалавриат (биохимия)</b> биологический факультет, Ереванский государственный университет
1999-2001	<b>Магистратура (биохимия)</b> биологический факультет, Ереванский государственный университет
2001-2004	<b>аспирантура (молекулярно-клеточная биология)</b> Институт молекулярной биологии НАН РА
Ученая степень	
2004	<b>кандидат биологических наук</b>
2019	<b>доктор биологических наук</b>
Опыт работы	
<i>Постоянная должность:</i>	
2015-	<b>Директор</b> Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения

2011-	<b>Руководитель исследовательской группы</b> Группа биоинформатики, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
2011-	<b>Старший научный сотрудник</b> Группа биоинформатики, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
2008-2014	<b>Заместитель директора</b> Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
2007-2011	<b>Научный сотрудник</b> Лаборатория макромолекулярных комплексов, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
2006-2007	<b>Приглашенный ученый</b> Лаборатория иммуногеномики, университет Палацкого, Чехия
2004-2006	<b>Научный сотрудник</b> Лаборатория макромолекулярных комплексов, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
2001-2004	<b>Младший научный сотрудник</b> Лаборатория макромолекулярных комплексов, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
1998-2001	<b>Старший лаборант</b> Лаборатория макромолекулярных комплексов, Институт молекулярной биологии НАН РА, Армения
<i>Совместительство:</i>	
2018-	<b>Директор</b> Институт биомедицины и фармации, Российско-Армянский (Славянский) университет
2015-2018	<b>Заведующий кафедрой</b> Базовая кафедра биоинженерии, биоинформатики и молекулярной биологии, институт математики и высоких технологий, Российско-Армянский (Славянский) университет
<b>Программные пакеты</b>	

Биоинформатика	<p><b>KEGGParser: parsing and editing KEGG pathway maps in Matlab</b>  <a href="http://www.mathworks.com/matlabcentral/fileexchange/37561-keggparser--parsing-and-editing-kegg-pathway-maps-in-matlab">http://www.mathworks.com/matlabcentral/fileexchange/37561-keggparser--parsing-and-editing-kegg-pathway-maps-in-matlab</a></p> <p><b>Geometric Gaussian-Kernel Bolstered Error Estimation for Linear Classification</b>  <a href="http://www.mathworks.com/matlabcentral/fileexchange/40118-geometric-gaussian-kernel-bolstered-error-estimation-for-linear-classification">http://www.mathworks.com/matlabcentral/fileexchange/40118-geometric-gaussian-kernel-bolstered-error-estimation-for-linear-classification</a></p> <p><b>СyKEGGParser: a Cytoscape app for parsing and automatic corrections of KEGG pathway maps</b>  <a href="http://apps.cytoscape.org/apps/cykeggparser">http://apps.cytoscape.org/apps/cykeggparser</a></p> <p><b>Computel: R based software for computation of mean telomere length of NGS Whole Genome Sequencing data</b>  <a href="https://github.com/lilit-nersisyan/computel">https://github.com/lilit-nersisyan/computel</a></p> <p><b>TMM: The Telomere Maintenance Mechanisms</b>  <a href="http://big.sci.am/software/tmm/">http://big.sci.am/software/tmm/</a></p>
----------------	--

**Проекты/гранты**

2018-2020	<p><b>Mechanisms underlying resistance of BRCA1-deficient ovarian cancers to PARP-inhibitors</b>  <i>Роль: руководитель</i>          Комитет по науке МОНКС РА (18RF-112)</p>
2017-2019	<p><b>oBIG:Partner Initiative in Bioinformatics, Systems Medicine and Health</b>  <i>Роль: со-руководитель</i>          Федеральное министерство образования и научных исследований, Германия (FFE-034)</p>
2017-2019	<p><b>PathwayMaps: Cartography of pathogenic pathway states</b>  <i>Роль: руководитель</i>          ГКН РА (16GE-025)</p>
2015-2017	<p><b>Assessment of the impact of genomic and epigenetic alterations on gene expression and biological pathway activation in cancers</b>  <i>Роль: руководитель</i>          ГКН РА (15T-1F150)</p>
2013-2015	<p><b>Analysis of biomolecular pathways involved in complex human diseases</b>  <i>Роль: руководитель</i>          ГКН РА (13YR-1F0022)</p>

2014	<p><b>Multiclass growing support set algorithm for analysis of high-throughput gene expression data</b></p> <p><i>Роль: руководитель</i></p> <p>Армянский национальный фонд науки и образования, США (molbio-3507)</p>
2011-2013	<p><b>In silico structure-function characterization of Familial Mediterranean fever gene product (pyrin): insights into disease pathogenesis</b></p> <p><i>Роль: руководитель</i></p> <p>ГКН РА (11В-1f014)</p>
2011	<p><b>Growing support sets for pathway specific microarray gene expression analysis</b></p> <p><i>Роль: руководитель</i></p> <p>Армянский национальный фонд науки и образования, США (NS-molbio-2319)</p>
<b>Подготовка кадров</b>	
10 дипломников и магистрантов, 4 аспиранта, 1 защита кандидатской диссертации	
<b>Патенты</b>	
Boyadjyan A., Khoyetsyan A., Arakelyan A. Method for schizophrenia diagnostics. AM 2347, G01N 33/48, 2010-01-25	